

版本号: KM240711

Order: 010-59822688

Toll-free: 800-990-6057 /400-810-6057 TIANGEN BIOTECH (BEIJING) CO., LTD

Fast Site-Directed Mutagenesis Kit

快速定点突变试剂盒

目录号: KM101

产品内容

产品组成	KM101 (20 rxn)
FastAlteration DNA Polymerase (1 U/µI)	20 μΙ
5× FastAlteration Buffer	200 µl
Dpn I restriction enzyme (20 U/μI)	20 μΙ
4.5 kb Control plasmid (5 ng/µl)	40 μΙ
Control primers (5 μM, each)	80 µl
FDM competent cells	20×50 μl

储存条件

收到本产品后, 请立即将FDM competent cells置于-90~-65°C条件下保存,试剂盒其他组分置于-30~-15°C条件下保存。感受态细胞-90~-65°C条件下保质期6个月,试剂盒其他组分在-30~-15°C条件下保质期15个月。

产品简介

体外定点突变技术是当前生物、医学各领域研究中的一种重要实验手段,多用于改造、优化目的基因;探索启动子的调节位点;以及研究蛋白质结构和功能之间的复杂关系。本试剂盒采用目前领先技术,可在目标载体上直接对靶基因进行单点突变,多点突变及插入或缺失突变,并且单点突变的突变率可达90%以上。另外,与以往的突变试剂盒需要多轮PCR及亚克隆等耗时耗力的步骤不同,本试剂盒的操作更为简便,从未突变菌株到突变菌株的构建只需要4步(如图1所示)。

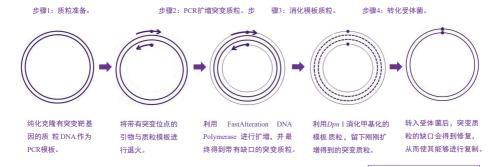


图1 TIANGEN 快速定点突变试剂盒操作流程

试剂盒提供的FastAlteration DNA Polymerase是一种快速高保真DNA聚合酶,该酶保真性能优良,灵敏度高,扩增速度可达15~30 sec/kb,并且可扩增长度达10 kb的质粒DNA。试剂盒附带的FDM感受态细胞具有体内降解甲基化质粒的功能,可以对未被*Dpn* I降解掉的质粒模板进行进一步的降解,因此可以保证试剂盒具有更高的阳性率。同时,本试剂盒还为客户提供了对照质粒和引物,方便客户查找实验问题。

试剂盒特点

简便快速: 试剂盒采用非链取代式质粒扩增技术,只需4步即可实现由非突变菌株到突变菌株的转变,而不需要多轮PCR及亚克隆等耗时耗力的步骤。

高效引物: 试剂盒采用部分重叠的引物设计原则, 可以扩增得到更多的突变质粒。

应用广泛:本试剂盒不但可进行单点突变,还可以进行多点突变,且突变点数可达5个。

适应性强:本试剂盒可对长达10 kb的质粒进行定点突变,基本覆盖所有常用质粒。

突变率高:本试剂盒具有体外和体内双重消化甲基化质粒模板的功能,可以保证更高的突变率。对于单点突变而言,本试剂盒的突变率可达90%以上。

带突变位点的引物。突变位点所在位置。

引物设计原则

- 1. 两条引物上都要包含突变位点,且除突变位点以外的碱基都要与质粒模板互补配对。
- 2. 若引物中只有一个突变位点,则需采用图2-A的设计原则。此类引物包括5'重叠区和3'延伸区两部分。引物总长度大约为30 nt,其中5'重叠区为15-20 nt, 3'延伸区至少为10 nt。突变位点在正向突变引物的重叠区以后,反向突变引物的5'末端。
- 3. 若引物上含有2-5个突变位点,则需采用图2-B的设计原则。此类引物的两条序列完全互补,分为突变区和非突变区两部分。引物总长度大约为40 nt,其中突变区为15-20 nt,非突变区至少为10 nt。根据实验需求可在突变区内设计2-5个突变位点。
- 4. 为保证高突变率, 突变引物需通过FPLC或PAGE方式纯化。
- 5. 突变引物Tm值的计算按下列公式进行:

Tm = 81.5 + 0.41(GC%) - 675 / N- mismatch% (N: 引物长度)

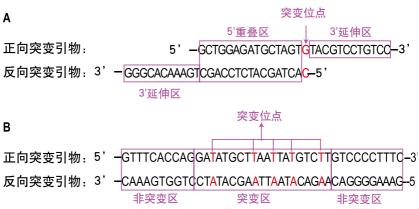


图2 TIANGEN 快速定点突变试剂盒引物设计原则

注意事项 请务必在使用本试剂盒之前阅读此注意事项。

- 1. 在进行单引物多位点突变时,由于增加了突变位点个数,所以突变率较单点突变时会有所降低,根据我们的实验数据,当突变位点个数达到5个时,突变阳性率会降低到50%。因此建议客户要增加验证的克降子数。
- 2. 本试剂盒支持多引物多位点突变,这样可以在基因内更广泛的范围内进行突变实验。突变位点个数的上限仍然是5个。
- 3. 建议在进行新的突变实验时要带上试剂盒附带的对照质粒和引物,以便于对实验问题进行分析。

适用范围

本试剂盒适用于: 改造优化目的基因和载体;分析启动子上与调控蛋白结合的关键位点;研究蛋白质结构和功能之间的关系。

操作方法

一、 建立 PCR 反应体系:

注意:以下举例仅供参考,实际反应条件因模板、引物等的结构不同而各异,需根据实际情况,设定最佳反应条件。

- 1. 将-30~-15℃下保存的PCR反应相关试剂, 突变引物及模板质粒解冻并混匀。
- 2. 按照下表中各组分的加入量进行反应液的配制。

反应体系:

组成成分	50 µl 体系	终浓度
DNA Template	10~100 ng	_
正向突变引物(10 µM)	2 µl	400 nM
反向突变引物(10 μM)	2 µl	400 nM
5×FastAlteration Buffer	10 µl	1×
FastAlteration DNA Polymerase (1.0 U/µI)	1 µl	0.02 U/µl
RNase-Free ddH ₂ O	至50 µl	_

3. 按照下表体系配制对照组PCR体系。

反应体系:

组成成分	50 µl 体系	终浓度
4.5 kb Control plasmid (5 ng/µl)	2 µl	0.2 ng/μl
Control primers (5 µM, each)	4 µl	400 nM
5×FastAlteration Buffer	10 µl	1×
FastAlteration DNA Polymerase (1.0 U/μl)	1 µl	0.02 U/µl
RNase-Free ddH₂O	至50 µl	_

4. 将实验组及对照组按照如下PCR反应程序进行PCR反应。

PCR反应程序:

注:下表中PCR程序按照对照组实验条件设置,客户可根据自身实验进行相应调整。

阶段	循环	温度	时间	内容
预变性	1×	95°C	2 min	预变性
		94°C	20 sec	变性
PCR反应	18×	55°C	10 sec	退火
		68°C	2.5 min	延伸
补充延伸	1×	68°C	5 min	补充延伸

二、质粒模板的消化

1. 按照下表所述配制酶切体系:

组成成分	51 µl 体系	终浓度
PCR产物	50 µl	-
Dpn I restriction enzyme (20 U/μI)	1.0 µl	0.4 U/μl
Total Volume	51 µl	-

2. 充分混匀后,将上述酶切体系于37℃条件下消化1 h。

三、转化宿主菌

注: 此转化流程为通用流程,可用于实验组及对照组。

- 1. 从-90~-65℃冰箱中取出1支FDM感受态细胞置于冰上解冻。
- 3. 42°C准确热激90 sec, 立即置于冰上2 min。
- 4. 加入350 μ I无菌的SOC或LB培养基(不含抗生素),混匀后置于37℃摇床振荡培养45~60 min(150转/分钟),使菌体复苏。
- 5. 孵育结束后,将离心管内菌液混匀,并将所有菌液涂布到含相应抗生素的LB固体琼脂培养基上,将平板置于室温直至液体被吸收,倒置平板,37℃培养12~16 h。
- 6. 待菌落长出后,进行突变克隆筛选。

四、根据对照组统计突变结果

试剂盒提供的对照质粒和对照引物主要用于评估试剂盒的突变率。在氨苄抗性的平板上,涂布20 µl 0.2 M的IPTG和40 µl 40 mg/ml的X-gal,正常情况下,对照组在上述平板上的菌落生长数应该在50个以上,且阳性突变菌株显蓝色,因为对照质粒上的/acZ基因是经过改造的,而成功的突变会使其回复成野生型。因此可根据菌落的颜色推断本次操作的阳性突变率,具体计算公式如下:

注意:对于突变实验而言,需要通过测序来最终验证突变是否成功,及突变位点以外的 碱基未发生改变。

常见问题及解决办法

1. 转化效率低或菌落数少

原因	解决办法
反应体系中扩增出的突变 质粒量不足	増加转化体系的量至10 μl。
PCR反应体系中模板	将模板质粒进行琼脂糖凝胶电泳及定量分析,
质粒量不足	以确定质粒的质量和浓度是否符合试剂盒要求。

2. 对照组突变率低或者菌落数少

原因	解决办法
PCR程序不适宜	确定PCR程序适宜对照组要求,并用确定后的程序再进 行一次对照组实验以彻底排除PCR程序的影响。
扩增产物不足	可将PCR反应的循环数增加至25个。
感受态细胞保存不当	收到试剂盒以后应第一时间将感受态细胞转入-90~-65°C冰箱中保存,且应将感受态放于冰箱的里面而不要放在门口。
X-gal和IPTG的用量不足	对本试剂盒而言,应在氨苄抗性的平板上,涂布20 µl 0.2 M的IPTG和40 µl 40 mg/ml的X-gal,才能 保证阳性突变株的菌落变为蓝色。
5×PCR反应Buffer 反复冻融	此Buffer中含有dNTP等容易降解的成分,反复冻融会加速这些物质的降解,因此,在实际操作中应尽量 避免对5×PCR反应Buffer的反复冻融。

3. 实验组突变率低或者菌落数少

原因	解决办法
PCR程序不适宜	确定PCR程序适宜实验组要求,并用确定后的程序再进
	行一次对照组实验以彻底排除PCR程序的影响。
反应体系混合不均匀	用移液器轻轻吸打将反应体系混合混匀。
加入Dpn I后未混匀充分	酶切阶段,加入Dpn I后一定要用移液器轻轻吸打多次以
	保证Dpn I与PCR体系混合均匀。
转化体系中质粒 模板过剩	质粒模板过剩会极大的影响突变效率。若排除其他影响
	后,突变率仍然很低,可以考虑增加Dpn l的用量至2 μl
	或延长酶切时间至1.5 h。
5×PCR反应Buffer 反复冻融	此Buffer中含有dNTP等容易降解的成分,反复冻融会加
	速这些物质的降解,因此,在实际操作中应尽量避免对
	5×PCR反应Buffer的反复冻融。



TIANGEN 官方微信,专业服务助力科研:

- 可视化操作指南
- 技术公开课合辑
 - + 142 vm 244
- 全线产品查询

- •
- 在线专家客服
- 微信直播课堂
- 最新优惠活动

坚持 "CUSTOMER FIRST"理念 秉承"质量为天,服务为根"宗旨!

TIANGEN为您提供从样本处理, 核酸纯化到下游检测的整体解决方案

科研试剂

- 样本保护与处理
- 磁珠法外泌体系列
- 基因组 DNA 提取
- 质粒提取
- 总 RNA 提取
- DNA 产物纯化 / 胶回收
- PCR 系列

- NGS 文库制备
- 表观遗传学
- RT-PCR 系列
- 荧光定量 PCR 系列
- 克隆和点突变
- DNA 分子量标准
- 蛋白表达和检测

科研解决方案

- 快速分子克隆整体解决方案
- 基因表达分析快速解决方案
- 环境微牛物解决方案
- 复杂样本 RNA 解决方案