

版本号: DP230704

Order: 010-59822688

Toll-free: 800-990-6057 /400-810-6057 TIANGEN BIOTECH (BEIJING) CO., LTD

DNA/RNA Isolation Kit

DNA/RNA共提取试剂盒

(离心柱型)

目录号: DP422

产品内容

产品组成	DP422 (50 preps)	
裂解液RLplus (Buffer RLplus)	30 ml	
去蛋白液RW1 (Buffer RW1)	40 ml	
漂洗液RW (Buffer RW)	12 ml	
无RNA酶双蒸水 (RNase-Free ddH ₂ O)	15 ml	
缓冲液GD (Buffer GD)	13 ml	
漂洗液PW (Buffer PW)	15 ml	
洗脱缓冲液TB(Buffer TB)	15 ml	
RNase-Free吸附柱CR3 (含2 ml收集管) (RNase-Free Columns CR3 set)	50 套	
吸附柱CB3 (Spin Columns CB3)	50 个	
RNase-Free离心管 (1.5 ml) (RNase-Free Centrifuge Tubes (1.5 ml))	100 个	
RNase-Free离心管 (2 ml)	50 个	
RNase-Free Centrifuge Tubes (2 ml))		
RNase-Free收集管 (2 ml)	50 个	
(RNase-Free Collection Tubes (2 ml))		

选配试剂

DNasel (目录号: RT411)

储存条件

加入β-巯基乙醇的裂解液RLplus 2-8°C可放置一个月; 其他试剂室温 (15-30°C) 保存15个月。

产品简介

本试剂盒可从培养的动物细胞或者组织中快速同步提取DNA和总RNA,可同时处理大量不同样品。40-50 min内即可完成反应,提取的DNA和总RNA纯度较高,可用于PCR和RT-PCR等多种分子生物学下游实验。

预防RNase污染,应注意以下几方面:

- 1. 经常更换新手套。因为皮肤经常带有细菌,可能导致RNase污染。
- 2. 使用无RNase的塑料制品和枪头避免交叉污染。
- 3. RNA在裂解液RLplus中时不会被RNase降解。但提取后继续处理过程中应使用不含RNase的塑料和玻璃器皿。玻璃器皿可在150℃烘烤4 h,塑料器皿可在0.5 M NaOH中浸泡10 min,然后用水彻底清洗,再灭菌,即可去除RNase。
- 4. 配制溶液应使用无RNase的水。(将水加入到干净的玻璃瓶中,加入DEPC至终浓度 0.1%(v/v),放置过夜,高压灭菌。)

使用前注意事项

- 1. 操作前在RLplus中加入 β -巯基乙醇至终浓度为1%,如1 ml RLplus中加入10 μ l β -巯基乙醇。此裂解液最好现用现配。配好的RLplus 2-8°C可放置一个月,裂解液RLplus在储存时可能会形成沉淀,如果有沉淀出现,请加热至56°C溶解并平衡至室温后使用。
- 2. 第一次使用前应在漂洗液RW、PW和缓冲液GD中加入无水乙醇,加入量请参见瓶上标签。
- 3. 以下操作如非指明,均在室温下进行。
- 4. 对于某些敏感的RNA应用实验可能需要完全去除DNA,可以参照DNase I 消化流程在柱上进行。

一. 从培养细胞中同时提取DNA和总RNA

1. 收集细胞:

悬浮细胞的收集(收集细胞数量请不要超过 1×10^7):估计细胞数量, $300\times g$ 离心 5 min,将细胞收集到离心管中,仔细吸除所有培养基上清。

单层贴壁细胞的收集(收集细胞数量请不要超过1×10⁷):可直接在培养容器中裂解(容器直径不超过10cm),或者使用胰蛋白酶处理后离心收集细胞沉淀。(在摇瓶中培养的单层贴壁细胞通常采用胰蛋白酶处理的方法。)

- 1) 直接裂解法:确定细胞数量,彻底吸除细胞培养基上清,立即进行第2步裂解步骤。
- 2)胰蛋白酶处理法:确定细胞数量,吸除培养基,用PBS洗涤细胞,吸除PBS,向细胞中加入含有0.10-0.25%胰蛋白酶的PBS处理细胞,当细胞脱离容器壁时,加入含有血清的培养基失活胰蛋白酶,将细胞溶液转移至RNase-Free的离心管中,300×g离心5 min,收集细胞沉淀,仔细吸除所有上清。

注意:收集细胞时一定要将细胞培养液去除干净,否则会导致裂解不完全,影响RNA与吸附柱的结合,造成RNA的产量降低。

2. 裂解处理

对于离心得到的细胞沉淀:轻弹离心管底部,使细胞沉淀松散,加入适量裂解液RLplus (见下表,使用前请先检查是否已加入β-巯基乙醇),涡旋震荡30 sec。

沉淀细胞数量	裂解液RLplus (μl)
<5×10 ⁶	350
5×10 ⁶ -1×10 ⁷	600

对于直接裂解的细胞: RLplus (见下表,使用前请先检查是否已加入β-巯基乙醇),将 细胞裂解液转移至离心管中,涡旋震荡30 sec。

容器直径(cm)	裂解液RLplus (μl)
<6	350
6-10	600

将所有溶液转移至DNA吸附柱CB3 (吸附柱CB3放在2 ml RNase-Free离心管中),
 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30-60 sec, 收集滤液。将吸附柱CB3放在收集管中室温或4°C放置至后续提取DNA。

总RNA提取

4. 向滤液中加入1倍体积70%乙醇 (通常为350 μ I或600 μ I),混匀 (此时可能会出现沉淀),得到的溶液和沉淀一起转入吸附柱CR3中 (吸附柱CR3放入收集管中),12,000 rpm (~13,400×g)离心30-60 sec,倒掉收集管中的废液,将吸附柱CR3放回收集管中。

注意:配制70%乙醇时请使用RNase-Free ddH_2O ,如果滤液体积有所损失,请相应减少70%乙醇用量。将溶液和沉淀转移至吸附柱CR3时,如果体积大于吸附柱容量,可以分两次完成。

- 5. 向吸附柱CR3中加入700 μl 去蛋白液RW1, 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30-60 sec, 倒掉收集管中的废液, 将吸附柱CR3放回收集管中。
- 向吸附柱CR3中加入500 μl 漂洗液RW (使用前请先检查是否已加入乙醇), 室温静置 2 min, 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30-60 sec, 倒掉收集管中的废液, 将吸附柱CR3 放回收集管中。
- 7. 重复步骤6。
- 8. 12,000 rpm(~13,400×g)离心2 min,倒掉废液。将吸附柱CR3置于室温放置数 min,以 彻底晾干吸附材料中残余的漂洗液。

注意:此步骤目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除,离心后将吸附柱CR3在室温放置片刻,以充分晾干。如果有漂洗液残留,可能会影响后续的RT等实验。

9. 将吸附柱CR3转入一个新的1.5 ml RNase-Free离心管中,加入100 μl RNase-Free ddH₂O 室温放置2 min, 12,000 rpm (~13,400×g) 离心2 min, 得到RNA溶液。

注意:洗脱缓冲液体积不应少于30 µl,体积过小影响回收效率。RNA溶液请于-70℃保存。

基因组DNA提取

- 10.向DNA吸附柱CB3中加入500 μl 缓冲液GD <u>(使用前请先检查是否已加入乙醇)</u>, 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30-60 sec, 倒掉收集管中的废液,将吸附柱CB3放回收集管中。
- 11.向吸附柱CB3中加入500 μl 漂洗液PW (使用前请先检查是否已加入乙醇), 室温静置 2 min, 12,000 rpm (~13,400×g)离心30-60 sec, 倒掉收集管中的废液, 将吸附柱CB3 放回收集管中。
- 12. 重复步骤11。
- 13. 12,000 rpm(~13,400×g)离心2 min,倒掉废液。将吸附柱CB3置于室温放置数分钟,以 彻底晾干吸附材料中残余的漂洗液。

注意:此步骤目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除,离心后将吸附柱CB3在室温放置片刻,以充分晾干。如果有漂洗液残留,可能会影响后续的RT等实验。

14. 将吸附柱CB3转入一个新的1.5ml RNase-Free离心管中,加入100 μl洗脱缓冲液TB,室温放置2 min, 12,000 rpm (~13,400×g) 离心2 min,得到DNA溶液。

二、从动物组织中同步提取DNA和总RNA

1. 匀浆处理:

切割小块组织加入适量裂解液RLplus (见下表,使用前请先检查是否已加入β-巯基乙醇),用电动或玻璃匀浆器将组织彻底研磨。涡旋震荡30 sec。

起始组织量	裂解液RLplus (μl)
10-20mg	350
≥20mg	600

注意:组织量一定不要超过30 mg,否则将导致RNA得率和质量下降。

2. 12,000 rpm(~13,400×g)离心3-5 min, 小心吸取上清至DNA吸附柱CB3 (吸附柱CB3放在 2 ml离心管中), 12,000 rpm(~13,400×g) 离心30-60 sec, 收集滤液。将吸附柱CB3放在 收集管中室温或4℃放置至后续提取DNA。

总RNA提取

3. 向滤液中加入1倍体积70%乙醇(通常为350 µl或600 µl),混匀(此时可能会出现沉淀)。

注意:配制70%乙醇时请使用RNase-Free ddH₂O,如果滤液体积有所损失,请相应减少70%乙醇用量。

- 4. 得到的溶液和沉淀一起转入吸附柱CR3中(吸附柱CR3放入收集管中), 12,000 rpm(~13,400×g)离心30-60 sec, 倒掉收集管中的废液, 将吸附柱CR3放回收集管中。
 - 注意:将溶液和沉淀转移至吸附柱CR3时,如果体积大于吸附柱容量,可以分两次完成。
- 5. 向吸附柱CR3中加入700 μl 去蛋白液RW1, 12,000 rpm(~13,400×g)离心30-60 sec, 倒掉收集管中的废液,将吸附柱CR3放回收集管中。
- 6. 向吸附柱CR3中加入500 μl 漂洗液RW <u>(使用前请先检查是否已加入乙醇)</u>, 室温静置2 min, 12,000 rpm(~13,400×g)离心30-60 sec, 倒掉收集管中的废液, 将吸附柱CR3放回收集管中。
- 7. 重复步骤6。
- 8. 12,000 rpm(~13,400×g)离心2 min,倒掉废液。将吸附柱CR3置于室温放置数分钟,以彻底晾干吸附材料中残余的漂洗液。

注意:此步骤目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除,离心后将吸附柱CR3在室温放置片刻,以充分晾干。如果有漂洗液残留,可能会影响后续的RT等实验。

9. 将吸附柱CR3转入一个新的1.5 ml RNase-Free离心管中,加入30-100 μl RNase-Free ddH₂O室温放置2 min,12,000 rpm(~13,400×g)离心2 min,得到RNA溶液。

注意:洗脱体积不应少于30 µI,体积过小影响回收效率。RNA溶液请于-70℃保存。

基因组DNA提取

10. 向DNA吸附柱CB3中加入500 μl 缓冲液GD (**使用前请先检查是否已加入乙醇**), 12,000 rpm (~13,400×g)离心30-60 sec, 倒掉收集管中的废液,将吸附柱CB3放回收集管中。

- 11. 向吸附柱CB3中加入500 μI漂洗液PW (使用前请先检查是否已加入乙醇), 室温静置 2 min, 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30-60 sec, 倒掉收集管中的废液, 将吸附柱CB3 放回收集管中。
- 12. 重复步骤11。
- 13. 12,000 rpm(~13,400×g)离心2 min,倒掉废液。将吸附柱CB3置于室温放置数分钟,以 彻底晾干吸附材料中残余的漂洗液。

注意:此步骤目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除,离心后将吸附柱CB3在室温放置片刻,以充分晾干。如果有漂洗液残留,可能会影响后续的RT等实验。

14. 将吸附柱CB3转入一个新的1.5 ml RNase-Free离心管中,加入30-100 μl洗脱缓冲液 TB,室温放置2 min, 12,000 rpm (~13,400×g) 离心2 min,得到DNA溶液。

DNase I 消化流程(可选)

DNase I储存液的配制: 将DNase I干粉(1500 U)溶解在550 µI RNase-Free ddH₂O中,轻柔混匀,分装后-30~-15℃贮存(可保存9个月)。

注意:从-20℃融化后的DNase I储存液保存于2-8℃ (可保存6周),不要再次冻存。

- 1. 按照RNA提取流程1-4步进行提取。
- 2. 向吸附柱CR3中加入350 μl 去蛋白液RW1, 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30-60 sec, 弃废液,将吸附柱放回收集管中。
- 3. DNase I 工作液的配制: 取10 μI DNase I 储存液放入新的1.5 ml RNase-Free离心管中, 加入70 μI RDD溶液, 轻柔混匀。
- 4. 向吸附柱CR3中央加入80 μl的DNase I 工作液,室温放置15 min。
- 5. 向吸附柱CR3中加入350 μl去蛋白液RW1, 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30-60 sec, 弃 废液,将吸附柱放回收集管中。
- 6. 按照RNA提取流程6-9步进行提取。



TIANGEN 官方微信,专业服务助力科研:

- 可视化操作指南
- 技术公开课合辑
 - T42 /BI 714
- 全线产品查询

- 在线专家客服
- 微信直播课堂
- 最新优惠活动

坚持 "CUSTOMER FIRST"理念 秉承"质量为天,服务为根"宗旨!

TIANGEN为您提供从样本处理, 核酸纯化到下游检测的整体解决方案

科研试剂

- 样本保护与处理
- 磁珠法外泌体系列
- 基因组 DNA 提取
- 质粒提取
- 总 RNA 提取
- DNA 产物纯化 / 胶回收
- PCR 系列

- NGS 文库制备
- 表观遗传学
- RT-PCR 系列
- 荧光定量 PCR 系列
- 克隆和点突变
- DNA 分子量标准
- 蛋白表达和检测

科研解决方案

- 快速分子克隆整体解决方案
- 基因表达分析快速解决方案
- 环境微牛物解决方案
- 复杂样本 RNA 解决方案