

版本号: DP210831

TIANpure Midi Plasmid Kit

高纯度质粒小提中量试剂盒

(离心柱型)

目录号: DP107

产品内容

产品组成	DP107-02 (50 preps)
平衡液BL (Buffer BL)	30 ml
溶液P1 (Buffer P1)	30 ml
溶液P2 (Buffer P2)	30 ml
溶液P3 (Buffer P3)	40 ml
去蛋白液PD (Buffer PD)	30 ml
漂洗液PW (Buffer PW)	15 ml
洗脱缓冲液TB (Buffer TB)	15 ml
RNA 酶 A (RNase A (10 mg/ml))	300 µl
过滤柱CS (Filtration Columns CS)	50个
吸附柱CP4 (Spin Columns CP4)	50个
收集管(2 ml) (Collection Tubes (2 ml))	100个

储存条件

该试剂盒置于室温(15-30℃)干燥条件下, 可保存15个月。若溶液产生沉淀, 使用前可在37℃水浴中预热10min以溶解沉淀, 不影响效果。第一次使用前将RNase A加入溶液P1中, 混匀后置于2-8℃保存, 可稳定保存6个月。单独包装的RNase A 在室温可稳定保存15个月。

产品简介

本试剂盒采用碱裂解法裂解细胞，通过离心吸附柱在高盐状态下特异性地结合溶液中的DNA。离心吸附柱中采用的硅基质材料为本公司新型材料，可高效、专一吸附DNA，另外由于增加了过滤柱，可去除杂质蛋白及细胞中其他有机化合物。以下操作步骤适用于提取5-15 ml过夜培养的大肠杆菌，质粒提取得率和质量与宿主菌的种类和培养条件，细胞的裂解，质粒拷贝数，质粒的稳定性，抗生素等因素有关。

使用本试剂盒提取的质粒DNA可适用于转染多种细胞及各种常规操作，包括酶切、PCR、测序、连接等实验。

提取得率

质粒类型	菌液量	得率	质粒
低拷贝	5-15 ml	5-25 µg	pBR322, pACYC及其衍生载体, pSC101及其衍生载体, SuperCos, pWE15
高拷贝	5-15 ml	15-70 µg	pTZ, pUC, pBS, pGM-T

注意事项 请务必在使用本试剂盒之前阅读此注意事项。

1. 溶液P1在使用前先加入RNaseA (将试剂盒中提供的RNase A全部加入)，混匀，置于2-8℃保存。
2. 使用前先检查平衡液BL、溶液P2和P3是否出现浑浊，如有浑浊现象，可在37℃水浴中加热几分钟，即可恢复澄清。
3. 注意不要直接接触溶液P2和P3，使用后应立即盖紧盖子。
4. 所有离心步骤均为使用台式离心机室温下进行离心，速度为12,000 rpm (~13,400 × g)。
5. 提取的质粒量与细菌培养浓度、质粒拷贝数等因素有关。如果所提质粒为低拷贝质粒或大于10kb的大质粒，应加大菌体使用量，同时按比例增加P1、P2、P3的用量，洗脱缓冲液应在65-70℃预热。**可以适当的延长吸附和洗脱的时间，以增加提取效率。**
6. 实验前使用平衡液BL处理吸附柱，可以充分激活硅基质膜，提高得率。
7. 用平衡液BL处理过的柱子最好当天使用，放置时间过长会影响效果。

操作步骤

使用前请先在漂洗液PW中加入无水乙醇，加入体积请参照瓶上的标签。

1. 柱平衡步骤：向吸附柱CP4中（吸附柱放入收集管中）加入500 μl 的平衡液BL，12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$) 离心1 min，倒掉收集管中的废液，将吸附柱重新放回收集管中。（请使用当天处理过的柱子）

2. 取5-15 ml过夜培养的菌液加入离心管中，12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$) 离心1 min，尽量吸除上清。

注意：菌液较多时可以通过几次离心将菌体沉淀收集到一个离心管中，菌体量以能够充分裂解为佳，过多的菌体裂解不充分会降低质粒的提取效率。

3. 向留有菌体沉淀的离心管中加入500 μl 溶液P1（请先检查是否已加入RNase A），使用移液器或涡旋振荡器彻底悬浮细菌细胞沉淀。

注意：请务必彻底悬浮细菌沉淀，如果有未彻底混匀的菌块，会影响裂解，导致提取量和纯度偏低。

4. 向离心管中加入500 μl 溶液P2，温和地上下翻转6-8次使菌体充分裂解。

注意：温和地混合，不要剧烈震荡，以免打断基因组DNA。此时菌液应变得清亮粘稠，所用时间不应超过5 min，以免质粒受到破坏。如果未变得清亮，可能由于菌体过多，裂解不彻底，应减少菌体量。

5. 向离心管中加入700 μl 溶液P3，立即温和地上下翻转6-8次，充分混匀，此时会出现白色絮状沉淀。12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$) 离心10 min，此时在离心管底部形成沉淀。

注意：P3加入后应立即混合，避免产生局部沉淀。如果上清中还有微小白色沉淀，可再次离心后取上清。

6. 将上一步收集的上清液分次加入过滤柱CS（过滤柱放入收集管中），12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$) 离心2 min，小心地将离心后收集管中得到的溶液分次加入吸附柱CP4中（吸附柱放入收集管中），（如果过滤柱中有残余的液体说明步骤5吸取的上清中杂质过多，可以延长离心的时间；如果离心后收集管底部有少量的沉淀，尽量地吸取上清）。

7. 12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$) 离心1 min，倒掉收集管中的废液，将吸附柱CP4放入收集管中。

-
8. 向吸附柱CP4中加入500 μ l去蛋白液PD, 12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$)离心1 min, 倒掉收集管中的废液, 将吸附柱CP4放入收集管中。
 9. 向吸附柱CP4中加入600 μ l漂洗液PW (请先检查是否已加入无水乙醇), 12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$)离心1 min, 倒掉收集管中的废液, 将吸附柱CP4放入收集管中。

注意: 加入漂洗液PW后, 如果室温静置2-5 min, 有助于更好地去除杂质。

10. 重复操作步骤9。
11. 将吸附柱CP4重新放回收集管中置于12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$)离心2 min, 目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除。

注意: 漂洗液中乙醇的残留会影响后续的酶反应(酶切、PCR等)实验。为确保下游实验不受残留乙醇的影响, 建议将吸附柱CP4开盖, 置于室温放置数分钟, 以彻底晾干吸附材料中残余的漂洗液。

12. 将吸附柱CP4置于一个干净的离心管中, 向吸附膜的中间部位悬空滴加100-300 μ l洗脱缓冲液TB, 室温放置2 min, 12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$)离心1 min将质粒溶液收集到离心管中。

注意: 洗脱缓冲液体积不应少于100 μ l, 体积过小影响回收效率。且DNA产物应保存在 -20°C , 以防DNA降解, 洗脱液的pH值对于洗脱效率有很大影响。若用ddH₂O做洗脱液, 应保证其pH值在7.0-8.5范围内, pH值低于7.0会降低洗脱效率。为了增加质粒的回收效率, 可将得到的溶液重新加入离心吸附柱中, 室温放置2 min, 12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$)离心2 min, 将质粒溶液收集到离心管中。

质粒DNA浓度及纯度检测

得到的质粒DNA可用琼脂糖凝胶电泳和紫外分光光度计检测浓度与纯度。电泳可能为单一条带, 也可能为2到3条DNA条带, 这主要与提取物培养时间长短、提取时操作剧烈程度等有关。OD₂₆₀值为1相当于大约50 $\mu\text{g/ml}$ 双链DNA。

OD₂₆₀/OD₂₈₀比值应为1.7-1.9, 如果洗脱时不使用洗脱缓冲液, 而使用ddH₂O, 比值会偏低, 但并不表示纯度低, 因为pH值和离子存在会影响光吸收值。



TIANGEN 官方微信，专业服务助力科研：

- 可视化操作指南
- 技术公开课合辑
- 全线产品查询
- 在线专家客服
- 微信直播课堂
- 最新优惠活动

坚持“CUSTOMER FIRST”理念 秉承“质量为天，服务为根”宗旨！

TIANGEN为您提供从样本处理，
核酸纯化到下游检测的整体解决方案

科研试剂

- 样本保护与处理
- 磁珠法外泌体系列
- 基因组 DNA 提取
- 质粒提取
- 总 RNA 提取
- DNA 产物纯化 / 胶回收
- PCR 系列
- NGS 文库制备
- 表观遗传学
- RT-PCR 系列
- 荧光定量 PCR 系列
- 克隆和点突变
- DNA 分子量标准
- 蛋白表达和检测

科研解决方案

- 快速分子克隆整体解决方案
- 基因表达分析快速解决方案
- 环境微生物解决方案
- 复杂样本 RNA 解决方案